

SEMINÁŘ Z BIOINFORMATIKY

Statistické klasifikační metody při celogenomové analýze genových expresí

RNDr. Jan Kalina, Ph.D.
Ústav informatiky AV ČR

Prezentace je motivovaná konkrétní celogenomovou studií genových expresí, které byly měřeny u pacientů s kardiovaskulárním onemocněním. Účast na analýze těchto dat mě následně vedla k hlubšímu studiu klasifikačních metod, jejich vhodnosti nebo naopak omezeních pro vysoce dimenzionální data. Konkrétně pojednám o regularizované lineární diskriminační analýze nebo o robustních statistických metodách.

Středa 19. 10. 2016, 17:20, místnost S5
Malostranské nám. 25, 118 00 Praha1 - Malá strana
<http://bioinformatika.mff.cuni.cz/seminar>
Kód předmětu: NDMI090

